

# 基于高通量测序技术的 细胞系及生物样品鉴定

我们基于高通量测序的肿瘤细胞系和模型鉴定服务保证您研究的可重复性

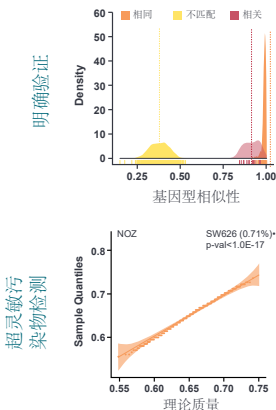
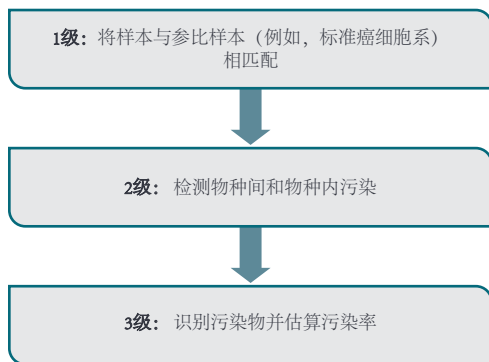


## 基于高通量测序的SNP方法对细胞系和模型进行鉴定

### 优于传统STR/SNP检测

- 提高准确度
- 提高灵敏度
- 更高通量
- 大量信息
- 每个样本的成本更低
- 快速周转

### 实现三层模型认证



适用的样本类型：  
人和小鼠样本，包括细胞系、组织  
类器官和 种移植肿瘤

### 使用案例

用SNP指纹对新样本进行分类	作为实验期间的标准QC
验证多个物种的样本	同时检查污染和支原体感染

结果名称	基于NGS的SNP分析方法	STR分析方法	SNP分析方法
技术	条形码深度NGS	多重PCR和毛细管电泳	多重PCR/qPCR
结果数据类型	数字（干净、接近零的量化误差）	模拟（嘈杂、高量化误差）	模拟（嘈杂、高量化误差）
人类样本验证	是	是	是
小鼠样本验证	是	有限	否
MMR稀有细胞系鉴定	是	否	是
污染检测灵敏度	高（1%）	低至中度（5 - 20%）	低至中度（3 - 20%）
准确度	高	低至中度	低至中度
通量	高	低	低
污染识别	是	否	否
污染率量化	是	否	否
适用于大型生物样本库	是	否	否
种间污染检测	是	有限	有限
种内污染检测	是	有限	有限
无参考污染检测	是	否	否
估计3+细胞系的混合比	是（1%灵敏度）	否	否

### 其他服务

- 支原体污染检查
- 病毒感染检查
- 人类样本的性别和种族识别
- 样本的遗传漂变和系统发育构建

### 其他信息

- 经认证的人和小鼠细胞系列表：<https://qc.crownbio.com>
- NAR基因组学和生物信息学，2020年9月，第2卷，第3期，Iqaa060, <https://doi.org/10.1093/nargab/lqaa060>
- <https://www.crownbio.com/oncology/cell-line-and-model-authentication>

## 联系



销售  
太仓0512-53879999

busdeven@crownbio.com  
www.crownbio.cn



科学  
consultation@crownbio.com

